MTB样本文库制备 DNB制备 测序与分析 J

概述

华大智造

MGI

适配试剂盒/ 试剂套装

名称	货号	品牌
ATOPlex MTB 建库试剂盒套装(96RXN)	940-001601-00	
ATOPlex MTB 建库试剂盒套装(576RXN)	940-001599-00	MGL
		- IVIGI
DNBSEQ 一步法 DNB 制备试剂盒 V4.0	940-001654-00	-

适配仪器/软件

仪器 / 软件型号	货号	品牌
DNBSEQ-G99ARS	900-000608-00	MGI
MTB-Explorer 软件	970-000385-00	IVIGI

MTB样本文库制备

样本要求

本试剂盒适用于结核分枝杆菌培养物或者混合样本微生物群落(例如,唾液、痰液)中的基因组DNA,样本推荐浓度和投入质量如下:

- 对于细菌培养物提取品,推荐 DNA 样本浓度大于等于 0.1 ng/µL,建议投入样本 质量在 1 ng~10 ng 之间。
- 对于混合微生物提取样本,推荐浓度大于等于1 ng/µL,建议投入样本质量在 1 ng~10 ng 之间。

投入质量根据实际应用需求确定,要求投入DNA样本体积≤9.5 µL。

第一轮PCR扩增

- 1. 从 ATOPlex MTB 引物池中取出 MTB PCR Primer Pool。从 ATOPlex 多重 PCR Spike-in 质控品中取出 Spike-in Control PCR Primer Pool。将两种 primer pool 置于室温解冻, 涡旋混匀离心后冰上暂存。
- 2. 从 ATOPlex DNA 多重 PCR 扩增模块中取出 PCR Enzyme Mix 及 PCR Clean Enzyme,颠倒或轻弹底部混匀后离心,置于冰上暂存。
- 3. 根据所需反应数,按照下表配置 PCR 反应液 I:

试剂	体积(µL)
PCR Enzyme Mix	12.5
PCR Clean Enzyme	0.5
MTB PCR primer Pool	2
Spike-in Control PCR Primer Pool	0.5
总体积	15.5

▲ 警告

- 在前区配置第一轮 PCR 反应液,在中区进行第一轮 PCR 反应和第二轮 PCR 反 应液配制。
- 为避免样本交叉污染,推荐使用带滤芯吸头。
- PCR反应结束后应立即进行下一步纯化操作,请勿将 PCR 产物置于 PCR 仪器 中过夜。
- 4. 按照所需投入量用移液器吸取待测 DNA 或质控品(9.5 μL Spike-in Control PCR Primer Pool,根据需求使用)至一个新的 0.2 mL PCR 管中,加入 TE 缓 冲液补齐至 9.5 μL。用移液器吸取 15.5 μL 配制好的 PCR 反应液 I,并加入到 PCR 管中,涡旋振荡 3 次,每次 3 秒,瞬时离心将反应液收集至管底。
- 5. 将 PCR 管置于 PCR 仪上,按照下表的条件进行第一轮 PCR 反应:

MTB样本文库制备

DNB制备

测序与分析

温度	时间	循环数	
105 ℃ (热盖)	On	/	
37 °C	5 min	1	
95 °C	5 min	. 1	
95 ℃	20 s		
62 °C	1 min	20	
58 °C	1 min	20	
72 °C	30 s		
72 °C	1 min	1	
4 °C	Hold	/	

6. 反应结束后,将 PCR 管瞬时离心。产物在 PCR 管中进行下一步纯化。

第一轮PCR产物纯化

华大智诰

ØG

- 1. 提前从 MGIEasy DNA 纯化磁珠试剂盒中取出 DNA Clean Beads,置于室温解 冻 30 分钟,充分涡旋混匀。
- 2. 用移液器吸取32.5 µL DNA Clean Beads,并加入到第一轮 PCR 反应后的产物中。 轻轻吹打至少 10 次至所有磁珠悬浮,最后一次应确保将吸头中所有液体及磁珠都 打入离心管中。
- 3. 室温孵育5分钟。
- 4. 将 PCR 管瞬时离心,再置于磁力架上静置 2~5 分钟至液体澄清,用移液器小心吸 取上清并丢弃。
- 5. 保持 PCR 管固定于磁力架上,加入 160 µL 80% 乙醇漂洗磁珠及管壁。轻轻吹打 3 次后静置 30 秒,小心吸取上清并丢弃。
- 6. 重复步骤 5 一次。尽量吸干管内液体,有少量残留在管壁时可将 PCR 管瞬时离心。 在磁力架上分离后,用小量程移液器将管底液体吸干。
- 7. 保持 PCR 管固定于磁力架上,打开管盖,室温干燥,直至磁珠表面无反光、无开裂。

💡 提示

磁珠过度干燥(开裂)将导致产量降低。

- 8. 将 PCR 管从磁力架上取下,加入 6 µL TE 缓冲液进行 DNA 洗脱。用移液器轻轻 吹打至少 10 次至所有磁珠悬浮。
- 9. 室温孵育5分钟。
- 10. 将 PCR 管瞬时离心,备用。
- 停止点

产物纯化后可置于 -20 ℃冰箱中储存 7 天。

第二轮PCR扩增

💡 提示

第二轮 PCR 需带磁珠进行反应,无需进行磁珠吸附及转移上清。

- 从 ATOPlex MTB 引物池中取出 MTB PCR Block,从 ATOPlex 多重 PCR Spike-in 质控品中取出 Spike-in Control PCR Block 及取出 ATOPlex 双标签 引物模块。将取出的试剂置于室温解冻,涡旋混匀离心后置于冰上暂存。
- 2. 从 ATOPlex DNA 多 重 PCR 扩 增 模 块 中 取 出 PCR Enzyme Mix、PCR Additive 及 PCR Clean Enzyme, 颠倒或轻弹底部混匀后离心, 置于冰上暂存。
- 按照 ATOPlex MTB 多重 PCR 建库说明书附录,从 ATOPlex 双标签引物模块 (01-96)中分别吸取 4 μL PCR Dual Barcode Primer Mix (01-96)加入到 纯化后的第一轮 PCR 反应产物中。或从 ATOPlex 双标签引物模块 (48×96)中 分别吸取 2 μL Barcode 1 (01-96)和 2 μL Barcode 2 (01-48)到对应样本中。
- 4. 根据所需反应数,按照下表在冰上配制 PCR 反应液 Ⅱ。涡旋混匀,瞬时离心后置 于冰上暂存。

华大智造

ATOPlex 结核分枝杆菌扩增测序组合产品(DNBSEQ-G99ARS) 快速操作指南

MTB样本文库制备

DNB制备

测序与分析

试剂	体积(µL)
PCR Enzyme Mix	12.5
PCR Clean Enzyme	0.5
PCR Additive	0.5
MTB PCR Block	1.0
Spike-in Control PCR Block	0.5
总体积	15.0

- 5. 吸取 15 µL PCR 反应液 II, 并加入到至步骤 3 中的各样本管中。涡旋混匀 3 次, 每次 3 秒, 瞬时离心将液体收集至管底。
- 6. 将 PCR 管置于 PCR 仪上,按下表的条件进行反应。

温度	时间	循环数	
105 ℃ (热盖)	On	/	
37 °C	5 min	1	
95 ℃	5 min	I	
95 ℃	20 s		
62 °C	1 min	15	
58 ℃	1 min	IS	
72 °C	30 s		
72 °C	1 min	1	
4 °C	Hold	/	

▲警告

- 在后区进行第二轮 PCR 反应。
- PCR 反应结束后应立即进行下一步纯化操作,请勿将 PCR 产物置于 PCR 仪器 中过夜。
- 7. 反应结束后,将 PCR 管瞬时离心。产物在 PCR 管中进行下一步纯化。

第二轮PCR产物纯化

- 提前取出DNA Clean Beads,置于室温平衡至少30分钟,涡旋混匀后使用。用 移液器吸取25 µL DNA Clean Beads,加入到第二轮PCR反应产物中。轻轻吹 打至少10次至所有磁珠悬浮。最后一次应确保将吸头中所有液体及磁珠都打入离 心管中。室温孵育 5 分钟。
- 2. 将 PCR 管瞬时离心,再置于磁力架上静置 2~5 分钟至液体澄清,用移液器小心吸 取上清并丢弃。
- 3. 保持PCR管固定于磁力架上,加入160 µL 80%乙醇漂洗磁珠及管壁,轻轻吹打3 次后静置30秒,小心吸取上清并丢弃。
- 4. 重复步骤3一次。尽量吸干管内液体,有少量残留在管壁时可将PCR管瞬时离心。 在磁力架上分离后,用小量程移液器将管底液体吸干。
- 5. 保持 PCR 管固定于磁力架上, 打开管盖, 室温干燥, 直至磁珠表面无反光、无开裂。
- 😧 提示

磁珠过度干燥(开裂)将导致产量降低。

- 6. 将PCR管从磁力架上取下,加入25 µL TE缓冲液进行DNA洗脱,用移液器轻轻吹 打至少10次至所有磁珠悬浮。
- 7. 室温孵育5分钟。
- 将PCR管瞬时离心,置于磁力架上,静置2~5分钟至液体澄清。用移液器吸取 23 μL上清液转移到新的PCR管中。
- 9. 使用双链DNA定量试剂对第二轮PCR产物进行定量,要求最终PCR产物浓度不低于10 ng/μL。

● 停止点

产物纯化后可置于 -20 ℃冰箱中储存。

ATOPlex 结核分枝杆菌扩增	曾测序组合产	品 (DN	IBSEQ-G99ARS)
快速操作指南			

MTB样本文库制备

DNB制备

_____ DNB制备

华大智造

ØG

- 从 DNBSEQ 一步法 DNB 制备试剂盒 V4.0 (OS-Dual Barcode)中取出 TE 缓 冲液、DNB 制备缓冲液(OS-DB-V4.0)、DNB 终止缓冲液和 DNB 聚合酶混合 液 I (OS-V4.0),置于冰盒上约 0.5 小时。融化后,使用涡漩振荡器振荡混匀 5 秒, 短暂离心置于冰盒上备用。
- 2. 将第二轮 PCR 产物(文库)等质量混合后取 50 ng 于新的 0.2 mL PCR 管中, 按照下表制备 DNB 反应液 I:

组分	加入量
文库	V
TE 缓冲液	10 µL-V
DNB 制备缓冲液(OS-DB-V4.0)	10 µL
总体积	20 µL

😧 提示

V=50/X,X为文库的浓度(ng/µL)。

3. 涡旋混匀离心,置于 PCR 仪中,进行如下反应:

温度	时间
105 ℃ (热盖)	On
95 ℃	3 min
40 °C	3 min
4 °C	Hold

- 4. 取出 DNB 聚合酶混合液 II(OS-V4.0),轻弹管底混匀后离心,置于冰上备用。
- 5. 反应结束后加入如下试剂并混匀离心,制备 DNB 反应液 II:

组分	体积(µL)
DNB 聚合酶混合液 I(OS-V4.0)	20
DNB 聚合酶混合液 II(OS-V4.0)	1

6. 将反应液(总体积为 41 µL)置于 PCR 仪按如下条件进行反应:

温度	时间
35 ℃(热盖)	On
30 °C	25 min
4 °C	Hold

- - 切勿振荡或剧烈吹打。
 - DNB产物可在4 °C条件下储存48小时。
- 8. 使用单链 DNA 定量试剂对 DNB 产物进行定量,浓度 8 ng/µL 以上为合格,浓度 不合格时需重新制备。

测序与分析

关于测序仪和分析软件的具体操作,参考相关说明书。

录入样本

- 1. 打开 Chrome 浏览器,在地址栏中输入如下 IP 地址,按【Enter】键: 192.168.1.5
- 输入授权的账号(【lite】)与密码(【lite123456】),点击【登录】,进入
 ZLIMS 主界面。
- 3. 在主界面点击【测序 + 分析】,进入新建测序 + 分析界面。
- **4.** 分析产品选择【MTB-Explorer_ATOPlex】,选择【表格导入样本编号】,点击 【新建】。
- 5. 在弹出的导入测序+分析界面点击【Excel模板】或【CSV模板】,下载 *.xlsx*或.*csv*样本模板文件。

MTB样本文库制备

DNB制备

测序与分析

6. 打开模板,填写【DNB 样本录入】工作表,完成后保存至指定路径。

	А	В	С	D	E	F	G			
1	产品名称(*)	DNB ID(*)	Barcode(*)	样本编号(*)	样本名称	样本类型(*)				
2	MTB-Explorer_ATOPlex					DNA				
3										
4										
5										
	■ DNB样本录入 表格填写注意事项 ①									

😧 提示

华大智造

MG

- 红色带*号字段为必填项,不带*号字段为选填项。
- Excel 表格中不能合并单元格,单元格内填写内容的前后不能有空格。
- 填写项包括下拉选项和输入项,不同的字段类型对应不同的格式。
- 【DNB ID】: 一般采用"字母+数字"的组合形式,不可与 ZLIMS 系统中已 录入的 DNB ID 重复。
- 【Barcode】:一个样本编号对应多个Barcode时,多个Barcode以英文逗号(,)隔开。若为多个连续且不含字母的Barcode,可以用波浪线(~)连接。
- 【样本编号】:一般采用"字母+数字"的组合形式,可以与 ZLIMS 系统中已 录入的样本编号重复。样本编号相同代表同一个样本。对于同一批次中样本编 号和样本类型均相同的样本,将合并数据进行分析。
- 【样本名称】: (可选)填写样本名称。
- 【样本类型】:仅可选择【DNA】。
- 返回导入测序+分析界面,点击【选择文件】,在弹框中选择填写完成的【DNB 样本录入】工作表,点击【上传】。DNB 样本信息录入完成后,返回新建测序+ 分析界面。
- 8. 点击【确认生成任务】,在弹窗点击【确定】。

如无需修改分析参数,在弹窗点击【确定】。如需修改分析参数,点击【如需修 改分析参数,请展开设置】,并修改所需参数,修改完成后点击【确定】。

😧 提示

修改分析参数后,请勿点击【收起】,即生成任务界面需保持展开状态。否则,参 数修改失败。

准备载片

取出载片在室温环境下放置至少30分钟,但不超过24小时,以进行DNB加载。

፼ 提示

此时请勿拆开真空包装袋。

准备测序试剂槽

- 1. 取出测序试剂槽,常温水浴解冻4小时,或提前一天将测序试剂槽置于2 ℃ ~8 ℃ 冰箱解冻。解冻后的试剂槽置于 2 ℃ ~8 ℃的冰箱中备用。
- 2. 颠倒混匀试剂槽 5 次。撕掉包装袋,使用无尘纸擦净盖板及孔位处的冷凝水。
- 3. 将配套的按压器对准柱塞,用手掌将四个柱塞按压到位。





4. 按照试剂槽上的标识,双手握住试剂槽 A、B 两侧,上下、左右摇晃混匀 20 次, 保证试剂充分混匀。

华大智造



MTB样本文库制备

DNB制备

测序与分析

- 3. 用非滤芯阔口吸头缓慢混匀 DNB 加载体系 5~8 次,混匀后放置于 4 ℃备用。
- 4. 取出载片,检查载片完整性。
- 5. 用 200 µL 非滤芯尖口吸头吸取 10 µL DNB 加载体系并轻轻插入载片流路入口中 (靠近载片外沿的小孔),按下移液器上的吸头脱卸按钮,样本自动流入载片中。
- 😧 提示

华大智诰

ØG

DNB 加载体系需现配现用。切勿离心、振荡及剧烈吹打。

6. 确保样本加载完成后,旋转拔出尖口吸头。将载片正面朝上,即刻转移到测序仪上 使用。

放置载片与复核信息

- 1. 将载片带有标签的一面朝上,按该面箭头指示方向,插入载片平台,系统将自动识别载片 ID。如扫描失败,可手动输入 ID。
- 2. 点击【下一步】,升降屏自动关闭。
- **3**. 在测序信息回顾界面,确认各项信息无误后,点击【测序】。在弹出的对话框中选择【是】,开始测序。

控制软件界面实时显示测序阶段和步骤。刷新 ZLIMS 样本管理界面后,可查看样本状态。

4. 测序完成后,点击【完成】,结束测序流程。系统自动打开升降屏和废液仓门。

仪器清洗与维护

如果在设置参数界面已勾选【自动清洗】,测序完成后系统将执行自动清洗流程。具体操作,参考DNBSEQ-G99RS高通量测序试剂套装说明书。

启动分析

样本测序完成后,分析软件会自动启动数据分析。

在ZLIMS主界面,点击【任务状态】区域任一数字或点击左侧导航栏【任务管理】, 可进入任务管理界面查看样本状态。

查看和下载分析报告

- 1. 在主界面点击【今日报告】下方的数字,进入分析报告界面。
 - 若数字为【O】,表示无今日报告,且分析报告界面默认显示其他日期生成的所 有报告。
 - 若数字大于 O,表示今日的报告数,且分析报告界面默认显示今日生成的所有 报告。
- **2**. 在查询区域设置查询条件,点击 Q ,定位到待查看报告所在记录行。
- 3. 点击【报告】列的 📄 ,或点击【分析类型】列的【Analysis】,并在弹出的结果 详情界面点击【报告】列的 📄 ,查看单样本报告。
- 4. 在分析报告界面,勾选所有待下载报告所在的记录行。
- 5. 点击右上角【下载报告】,下载勾选报告。
- 6. (可选) 在分析报告界面,点击【结果路径】列的 17开结果目录。在结果目录, 点击【Report】>【Summary】,查看汇总报告。
- 7. (可选)在结果目录,点击 "*All.Report.tar.gz*",可下载所有报告结果至默认 路径。

华大智造 第1GI	ATOPlex 结核分枝杆菌扩 快速操作指南	增测序组合产品(DNBSEQ-G99ARS)	・编号: H-020-000961-00 ・版本: 1.0	・修订日期: 2024 年 4 月 ⑥ 华大智造 版权所有
	MTB样本文库制备	DNB制备	测序与分析	

(可选)关闭测序仪

- 1. 点击 🗰 >【关机】,在弹出的对话框中选择【关机】。
- 2. 将电源按钮拨至 🔵 位置。
- 3. 将电源线从插座或UPS上拔出。